

Master feiern Abschluss

61 Masterurkunden in den drei Studiengängen Biochemie, Biomedizin und Biomedizinische Datenwissenschaft verliehen



© Gustav Meyer

Sie haben die besten Masterarbeiten abgegeben: Katharina Mörk, Jan-Phillipp Gerhards und Jana Tauschke (vorne von links) mit den beiden Sprecherinnen der Junior GBM Lydia Bosse und Jenny Fiebig (hinten).

Mit einer gemeinsamen Abschlussfeier hat die MHH im Februar die Absolventinnen und Absolventen in ihren drei biowissenschaftlichen Masterstudiengängen Biochemie, Biomedizin und Biomedizinische Datenwissenschaft gewürdigt. Organisiert wurde die festliche Zeugnisübergabe vom noch jungen Masterstudiengang Biomedizinische Datenwissenschaft, der innerhalb des Exzellenzclusters RESIST entstanden ist. Prof. Dr. Dr. Michael Marscholke, Sprecher des Masterstudiengangs Biomedizinische Datenwissenschaft, eröffnete die Feier und überreichte die Zeugnisse an „seine“ Absolventinnen und Absolventen zusammen mit Prof. Daniel Depledge, PhD, der seit dem Sommer 2024 auch für das Programm des Masterstudiengangs verantwortlich ist. Prof. Dr. Jens Bosse, Forscher im Centre for Structural Systems Biology (CSSB) und RESIST-Mitglied, hielt einen wissenschaftlichen Festvortrag mit dem Titel „System-Strukturbiologie von Infektionserregern mithilfe von KI“.

Faktoren für Herpes-Anfälligkeit gesucht

PD Dr. Stephan Traidl erhielt von der Gesellschaft der Freunde der MHH e. V. den Studienpreis „Bester Abschluss“ des Masterstudiengangs Biomedizinische

Datenwissenschaft. Der Mediziner aus der Klinik für Dermatologie, Allergologie und Venerologie der MHH hatte bereits mit dem Masterstudiengang begonnen, als er noch im Clinician Scientist Program PRACTIS war. In seiner Masterarbeit untersuchte er Hautproben von Patientinnen und Patienten mit atopischer Dermatitis (Neurodermitis), die schwere Herpes-Infektionen hatten. Ihn interessierten insbesondere die Daten des Transkriptoms. Sein Ziel war es, Faktoren zu finden, aufgrund derer die Menschen besonders anfällig sind für eine Herpes-Infektion. „Wir haben signifikante Unterschiede in der Genexpression festgestellt, die auf eine erhöhte Virusanfälligkeit in der Haut von EH-Betroffenen hinweisen. Dupilumab, ein IL-4R Antikörper, der zur Behandlung der atopischen Dermatitis eingesetzt wird, konnte die antivirale Abwehr nur teilweise normalisieren“, erläutert der 31-Jährige.

Rechnen für Transplantate

Jana Tauschke konnte die Auszeichnung „Beste Masterarbeit“ des Studiengangs Biomedizinische Datenwissenschaft von der Junior-GBM, Gesellschaft für Biochemie und Molekularbiologie e. V. entgegennehmen. Die 26-Jährige hat in ihrer Masterarbeit Genexpressionsdaten aus Biopsien transplantierter Nieren analysiert. So konnte sie zeigen, dass die Abstoßungsreaktionen auf molekularer Ebene deutlich heterogener sind als auf histologischer Ebene. „Die Betrachtung weiterer Subgruppen von Abstoßungsreaktionen könnte eine individualisiertere Therapie ermöglichen und so möglicherweise die Langzeitfunktion von Transplantaten verbessern“, erläutert Tauschke. Nun promoviert sie am Peter L. Reichertz Institut für Medizinische Informatik in der Arbeitsgruppe „Klinische Datenwissenschaften“.

Die Auszeichnung „Bester Abschluss“ in den anderen beiden Studiengängen wurde ebenfalls von der Gesellschaft der Freunde der MHH e.V. verliehen und ging an Jule Hupfeld, Vanessa Vollmer und Niklas Viohl (Biochemie) sowie Jan-Phillipp Gerhards (Biomedizin). Die besten Masterarbeiten in Biochemie beziehungsweise Biomedizin haben abgegeben: Katharina Mörk in Biochemie mit dem Titel „Genomische Deletion spezifischer O- und/oder C-mannosylierter Glykoproteine in humanen pluripotenten Stammzellen mittels CRISPR-Cas9“ am Institut für Klinische Biochemie und Jan-Phillipp Gerhards in Biomedizin mit dem Titel „Epitope Editing to Generate an Immunotherapy Stealth Hematopoiesis“ im Department of Hematology and Oncology im Boston Children's Hospital, USA, betreut von Prof. Dr. Michael Morgan, Institut für Experimentelle Hämatologie.

Bettina Dunker und Bettina Bandel

Mehr Infos
zum Thema?
SCAN ME

